

• 论著 •

原发性胆汁性肝硬化与 HLA-DRB1 等位基因的相关分析刘海英¹,周晔¹,姚定康²,陈燕¹,屠小卿¹,张建¹,范列英¹,高春芳¹,邓安梅¹,仲人前^{1*}

(1. 第二军医大学长征医院实验诊断科,上海 200003; 2. 长征医院消化内科)

[摘要] 目的:探讨原发性胆汁性肝硬化(primary biliary cirrhosis, PBC)患者人群与人类白细胞抗原(HLA)-DRB1等位基因的相关性,评估易感基因与一些临床及实验室特征的相互关系。**方法:**利用序列特异性引物PCR(SSP-PCR)对65例确诊为PBC的患者和431例健康人进行HLA-DRB1等位基因以及有关基因亚型分析。**结果:**PBC患者DRB1*07的频率为29.2%,与正常人的13.9%相比存在显著性差异($P_c < 0.05$,相对危险度OR为2.55,95%CI:1.4~4.6),所有DRB1*07阳性患者经亚型分析均为DRB1*0701;其余DRB1的等位基因频率与正常人比较无显著性差异。DRB1*0701阳性患者群体与阴性患者在一些临床、实验室指标上无显著差异。**结论:**中国人群PBC与HLA-DRB1*0701基因相关,与南美、北美、北欧甚至日本等其他国家PBC患者的易感基因明显不同,为进一步作针对PBC患者的免疫治疗提供线索。

[关键词] 肝硬化,胆汁性;人类白细胞抗原;等位基因**[中图分类号]** R 575.22 **[文献标识码]** A **[文章编号]** 0258-879X(2004)12-1292-03**Correlation analysis of primary biliary cirrhosis with HLA-DRB1 alleles polymorphism**

LIU Hai-Ying^{1,2}, ZHOU Ye¹, YAO Ding-Kang³, CHEN Yan¹, TU Xiao-Qing¹, ZHANG Jian¹, FAN Lie-Ying¹, GAO Chun-Fang¹, DENG An-Mei¹, ZHONG Ren-Qian^{1*} (1. Department of Laboratory Medicine, Changzheng Hospital, Second Military Medical University, Shanghai 200003, China; 2. Department of Gastroenterology, Changzheng Hospital)

[ABSTRACT] **Objective:** To investigate the frequencies of HLA-DRB1 alleles in Chinese patients with primary biliary cirrhosis(PBC) and to assess the role of HLA molecules in clinic and laboratory. **Methods:** Genotyping of HLA-DRB1 was performed in 65 well-characterized PBC patients and 431 healthy controls with polymerase chain reaction-sequence-specific primers. **Results:** The frequency of DRB1*0701 was increased by 29.2% compared with 13.9% in controls($P_c < 0.05$, OR=2.55,95%CI: 1.4~4.6), while frequencies for the other DRB1 alleles were similar in 2 groups. All DRB1*07 positive patients were further subtyped as DRB1*0701. There was no significant difference between patients with and without DRB1*0701 in some clinical and laboratory features. **Conclusion:** Susceptibility to primary biliary cirrhosis in Chinese individuals is associated with DRB1*0701 allele, which is different from those in North Americans, South Americans, North Europeans and even Japanese, which provides an important clue for a specific immunotherapy of this disease.

[KEY WORDS] liver cirrhosis,biliary; human leukocyte antigens; alleles

[Acad J Sec Mil Med Univ,2004,25(12):1292-1294]

原发性胆汁性肝硬化(primary biliary cirrhosis, PBC)是一类以肝内小胆管进行性、非化脓性、破坏性炎症为特征的自身免疫性肝病,主要累及中老年妇女,国内外均有发生。随着临床医生对该病认识的逐步深入和实验室检查手段的不断提高,近年来国内外对PBC的报道均明显增加^[1]。PBC的病因和确切发病机制至今尚不完全清楚,有许多证据提示该病与自身免疫有关。在自身反应性T细胞的成熟、T细胞活化和免疫识别等整个免疫反应过程始终需要HLA I、II类分子的参与,因此HLA在PBC致病机制中起着举足轻重的作用。国外研究亦表明,HLA基因与PBC发病、病情进展存在一定的关联性,不同的地区或种族其基因易感性又不尽一致。但至今尚未见中国患者人群相关报道,为寻找与PBC相关的HLA分子,探讨我国PBC的遗传易感

背景,我们利用序列特异性引物PCR(SSP-PCR)研究一组中国人群PBC患者的HLA-DRB1等位基因多态性。

1 材料和方法

1.1 研究对象 65名PBC患者来自江、浙、沪,主要为上海地区,均符合美国肝病学会2000年推荐的PBC诊断指南^[2]。男女比例约为1:8.3(7/58),年龄31~87岁,平均年龄为(54.6±10.6)岁;发病时的年龄31~67岁,平均发病年龄是(51.9±9.6)岁;

[基金项目] 国家自然科学基金(30300157);上海市卫生系统百人跨世纪优秀学科带头人培养基金(沪卫科9713)。

[作者简介] 刘海英(1970-),女(苗族),博士,主管技师。现在广州军区总医院检验科,广州 510010。

*Corresponding author. E-mail: rqzhong@guomai.sh.cn

病程为0.3~12年,平均病程为(3.4±2.7)年。431例无亲缘关系的健康献血员为正常对照组。

1.2 基因分型

1.2.1 外周血基因组DNA的提取 取受检者枸橼酸钠抗凝血400μl,采用固相亲和柱分离法(Qiagen, Hilden, Germany)提取外周血DNA,以DNA测量仪测定DNA的浓度及纯度。 D_{260}/D_{280} 比值范围为1.6~1.8,浓度为75~200 ng/μl,置-20℃冰箱保存待测。

1.2.2 SSP-PCR基因分型 采用低分辨HLA-ABDR分型试剂盒(One Lambda, Canoga Park, USA)进行HLA-DRB1等位基因分型,其原理基于编码各种HLA抗原表型的等位基因均可用相应的序列特异性引物进行扩增。PCR反应条件为预变性94℃10 s、63℃60 s共10个循环;变性94℃10 s、退火59℃50 s、延伸72℃30 s共20个循环。对于有统计学意义的等位基因,我们继续采用该公司高分辨SSP-PCR试剂盒鉴定其亚型。

1.2.3 结果判定 扩增产物于2%琼脂糖凝胶中(含溴化乙啶1 μg/ml)电泳,根据泳道中扩增的DNA条带对照试剂盒提供的熔解表判断DRB1等位基因或亚型结果。

1.3 肝功能及自身抗体检测 肝功能指标如碱性磷酸酶(ALP)、γ-谷氨酰转肽酶(γ-GT)、胆红素、胆汁酸、丙氨酸氨基转移酶(ALT)和天冬氨酸氨基转移酶(AST)用全自动生化分析仪(ADVIA1650, Bayer)检测。血清总IgG、IgM用散射比浊法分析(BN ProSpec, Dade Behring)。抗核抗体(ANA)、AMA则用间接免疫荧光方法检测,ANA采用的基质片为猴肝组织切片和Hep2细胞,而AMA则采用大鼠的胃、肾及肝组织切片和Hep2细胞为基质片(Euroimmun, Luebeck, GER);M2抗体以免疫印迹方法进行检测^[3]。

1.4 统计学处理 患者组与正常对照组之间的基因频率进行 χ^2 检验或Fisher精确检验;根据Bonferroni不等法则校正P值,即校正后的 P_c 值等于P值乘以试验系统所检测的抗原数。相对危险度以比数比(OR)表示。均数间的比较则采用t检验,所有数据皆以SPSS软件系统处理。

2 结 果

2.1 HLA-DRB1等位基因在PBC及正常对照组中的分布 如表1所示,PBC组中HLA-DRB1*07和DRB1*03等位基因出现频率要高于正常对照组。但P值经过校正后,PBC组与对照组之间的

DRB1*03的差异不再具有统计学意义。65例患者中有19例携带DRB1*07等位基因,出现频率为29.2%,而对照组中,该基因出现频率仅为13.9%($P_c<0.05$, OR=2.55, 95%CI: 1.4~4.6),两组经校正P值后仍然具有显著性差异。PBC组DRB1*12(16.9% vs 28.8%)的频率较正常对照组低,校正后则无明显差异,其他等位基因出现频率在两组间无显著性差异。

表1 HLA-DRB1等位基因在PBC及对照组中的分布

Tab 1 HLA-DRB1 typing in patients with PBC and healthy controls

| Alleles | PBC [N=65, n(%)] | Control [N=431, n(%)] | P | P_c | Odds ratio |
|---------|------------------------|-----------------------------|-------|-------|---------------|
| DRB1*01 | 1(1.5) | 21(4.9) | 0.371 | | |
| DRB1*03 | 12(18.4) | 31(7.2) | 0.006 | NS | |
| DRB1*04 | 15(23.1) | 96(22.3) | 0.885 | | |
| DRB1*07 | 19(29.2) | 60(13.9) | 0.002 | 0.022 | 2.55 |
| DRB1*08 | 11(16.9) | 62(14.4) | 0.590 | | |
| DRB1*09 | 24(36.9) | 138(32.0) | 0.432 | | |
| DRB1*10 | 1(1.5) | 10(2.3) | 0.690 | | |
| DRB1*11 | 4(6.2) | 62(14.4) | 0.069 | | |
| DRB1*12 | 11(16.9) | 124(28.8) | 0.045 | NS | |
| DRB1*13 | 5(7.7) | 65(15.1) | 0.111 | | |
| DRB1*14 | 3(4.6) | 53(12.3) | 0.068 | | |
| DRB1*15 | 12(18.5) | 65(15.1) | 0.483 | | |
| DRB1*16 | 5(7.7) | 16(3.7) | 0.248 | | |

NS: Not significant

2.2 HLA-DRB1*07亚型分析 DRB1*07共有5个亚型,分别为DRB1*0701、DRB1*0703~0706,我们进一步采用DR7高分辨SSP-PCR试剂盒对PBC组DRB1*07阳性患者进行亚型分析,结果显示19例DRB1*07阳性PBC患者均为DRB1*0701,未检测到其他亚型。

2.3 PBC患者临床及实验室指标与HLA-DRB1*0701的关系 80%PBC患者的总IgM水平高于正常参考范围,54例ANA滴度 $\geq 1:100$,所有患者的AMA为阳性,其中M2抗体为阳性者有59例(90.8%)。为了评估易感基因对PBC患者的影响,我们同时对DRB1*0701阳性与DRB1*0701阴性患者进行比较,发现两组间临床资料(如性别构成、平均年龄、发病年龄、病程)和实验室指标(如ALP、γ-GT、胆红素、胆汁酸、ALT、AST、总IgG、IgM水平以及自身抗体)均无显著性差异。

3 讨 论

本研究发现中国人群PBC患者与HLA-DRB1

* 0701 等位基因相关, DRB1 * 0701 是中国人中较为常见的一个等位基因, 在以往的研究中未发现其与 PBC 有关联性。HLA-DRB1 分子高变区内的第 74 位和第 78 位氨基酸是 DRB1 * 0701 的重要抗原结合位点^[4], 而 DRB1 * 0701 第 78 位上的氨基酸为疏水的脂肪族氨基酸-缬氨酸(Val), 除了 DRB1 * 09 在此位亦是缬氨酸外, 其他所有 DRB1 分子均为正电荷的芳香族氨基酸-酪氨酸(Tyr)。HLA-DRB1 第 78 位上的缬氨酸残基可能在 PBC 发病中自身抗原提呈中发挥了重要作用。

国外就此方面的研究结果不尽一致, DRB1 * 08 是其中报道最多的一种, 它被认为是英国、美国、日本以及瑞典人群 PBC 易感基因^[5~8], 其他的还有 DRB1 * 0901 和 DRB1 * 14^[5,8]; 也有研究否定 PBC 发病与 HLA-DRB1 等位基因之间的相关性^[9~11]。实际上, HLA-DRB1 与 PBC 的相关性都不是特别的密切, 最多只有 1/3 的患者携带这些易感基因。Southwood 等^[12]新近研究提示, 几种常见的 HLA-DR 抗原(DRB1 * 0101、DRB1 * 0401 和 DRB1 * 0701)可以提呈某些相同的抗原肽, 其中有些抗原肽还可与包括 DRB1 * 0901、DRB1 * 0802 等在内的 HLA 分子相结合。因此可以推测, PBC 可能是一种多基因疾病, 其自身抗原很可能同时为所报道的易感基因 HLA-DRB1 * 08、DRB1 * 0901 和 DRB1 * 0701 等 HLA 分子提呈。

总之, HLA 抗原在发生自身免疫过程中起着重要作用, 探讨 HLA 与 PBC 的关联性, 对于确定致病基因、明确发病机制和促进 PBC 的免疫治疗都是至关重要的。本研究提示, HLA DRB1 * 0701 与中国 PBC 患者有一定关联, 这将为研究 PBC 特异性免疫治疗提供线索, 但由于统计例数有限, 尚需作进一步的大样本研究。

〔参考文献〕

- [1] 刘海英,范列英,屠小卿,等.肺炎衣原体感染与原发性胆汁性肝硬化的相关性研究[J].中华肝脏病杂志,2004,12(9):546-548.
Liu HY,Fan LY,Tu XQ,*et al.* Study on the relationship between chlamydia pneumoniae infection and primary biliary cirrhosis[J]. *Zhonghua Ganzangbing Zazhi (Chin J Hepatol)*, 2004,12(9):546-548.
- [2] Heathcote EJ. Management of primary biliary cirrhosis. The American Association for the Study of Liver Diseases practice guidelines[J]. *Hepatology*,2000,31(4):1005-1013.
- [3] Jiang XH,Zhong RQ,Tu XQ,*et al.* Construction and expression of a humanized M2 autoantigens trimer and its application in the diagnosis of primary biliary cirrhosis[J]. *World J Gastroenterol*,2003,9(6):1352-1355.
- [4] Krieger JI,Karr RW,Grey HM,*et al.* Single amino acid changes in DR and antigen define residues critical for peptide-MHC binding and T cell recognition[J]. *J Immunol*,1991,146(7):2331-2340.
- [5] Begovich AB,Klitz W,Moonsamy PV,*et al.* Genes within the HLA class I region confer both predisposition and resistance to primary biliary cirrhosis[J]. *Tissue Antigens*,1994,43(2):71-77.
- [6] Onishi S,Sakamaki T,Maeda T,*et al.* DNA typing of HLA class I genes: DRB1 * 0803 increases the susceptibility of Japanese to primary biliary cirrhosis[J]. *J Hepatol*,1994,21(6):1053-1060.
- [7] Donaldson P,Agarwal K,Craggs A,*et al.* HLA and interleukin 1 gene polymorphisms in primary biliary cirrhosis: associations with disease progression and disease susceptibility[J]. *Gut*,2001,48(3):397-402.
- [8] Wassmuth R,Depner F,Danielsson A,*et al.* HLA class I markers and clinical heterogeneity in Swedish patients with primary biliary cirrhosis[J]. *Tissue Antigens*,2002,59(5):381-387.
- [9] Zhang L,Weetman AP,Bassendine M,*et al.* Major histocompatibility complex class-I alleles in primary biliary cirrhosis [J]. *Scand J Immunol*,1994,39(1):104-106.
- [10] Invernizzi P,Battezzati PM,Crosignani A,*et al.* Peculiar HLA polymorphisms in Italian patients with primary biliary cirrhosis [J]. *J Hepatol*,2003,38(4):401-406.
- [11] Bittencourt PL,Palacios SA,Farias AQ,*et al.* Analysis of major histocompatibility complex and CTLA-4 alleles in Brazilian patients with primary biliary cirrhosis [J]. *J Gastroenterol Hepatol*,2003,18(9):1061-1066.
- [12] Southwood S,Sidney J,Kondo A,*et al.* Several common HLA-DR types share largely overlapping peptide binding repertoires [J]. *J Immunol*,1998,160(7):3363-3373.

〔收稿日期〕 2004-07-23

〔修回日期〕 2004-11-11

〔本文编辑〕 贾泽军, 邓晓群

欢迎订阅

《第二军医大学学报》 ISSN 0258-879X

CN31-1001/R

上海市翔殷路 800 号(邮编:200433) 邮发代号:4-373

JOURNAL OF MEDICAL COLLEGES OF PLA ISSN 1000-1948X

CN31-1002/R

上海市翔殷路 800 号(邮编:200433) 邮发代号:4-725