DOI: 10. 3724/SP. J. 1008. 2015. 00685

·短篇论著·

丹酚酸 B 对 MPP+所致线粒体损伤 PC12 细胞的保护作用

杨军岭1,杨 侠2*

- 1. 解放军 323 医院药剂科,西安 710054
- 2. 陕西省人民医院医务处,西安 710068

[摘要] **月 的** 探讨丹酚酸 B(salvianolic acid B, SalB)对 1-甲基-4-苯基吡啶离子(1-methyl-4-phenylpyridinium, MPP $^+$)所致线粒体损伤 PC12 细胞的保护作用及可能机制。 \boldsymbol{j} 法 采用 MPP $^+$ 处理 PC12 细胞建立线粒体损伤模型,测定线粒体膜电位和线粒体 ATP 合成,PCR 检测线粒体 DNA 及 PGC-1、NRF-1、TFAM 基因表达,蛋白质印迹检测线粒体融合相关蛋白表达变化。 **结果** SalB 能减轻 MPP $^+$ 所致线粒体膜电位下降和线粒体 ATP 合成减少(P<0.05); SalB 能增加 MPP $^+$ 处理后线粒体 DNA 及 PGC-1、NRF-1、TFAM 基因表达(P<0.05); SalB 增加 MPP $^+$ 处理后 Opa-1 和 Mfn-1 蛋白的表达,而抑制 Drp-1 和 Fis-1 蛋白的表达(P<0.05)。 **结论** SalB 可能通过调控线粒体生物发生和线粒体融合相关蛋白对 MPP $^+$ 所致线粒体损伤 PC12 细胞发挥保护作用。

[关键词] 帕金森病;丹酚酸 B;1-甲基-4-苯基吡啶;PC12 细胞;线粒体

[中图分类号] R 971.5 [文献标志码] A [文章编号] 0258-879X(2015)06-0685-05

Protective effects of salvianolic acid B on MPP+-induced mitochondrial injury in PC12 cells

YANG Jun-ling1, YANG Xia2*

- 1. Department of Pharmacy, No. 323 Hospital of PLA, Xi'an 710054, Shaanxi, China
- 2. Department of Medical Affair, Shaanxi Provincial People's Hospital, Xi'an 710068, Shaanxi, China

[Abstract] Objective To investigate the protective effects of SalB on 1-methyl-4-phenylpyridinium (MPP⁺)-induced mitochondrial dysfunction in PC12 cells and the potential mechanism. **Methods** The injured model of PC12 cells was established by exposing to MPP⁺ and the mitochondrial function was evaluated by mitochondrial membrane potential (MMP) and mitochondrial ATP synthesis. PCR was used to measure the mitochondrial DNA (mtDNA) content and the expression of PGC-1, NRF-1 and TFAM. The expression of mitochondrial dynamic related proteins was detected by Western blotting analysis. **Results** SalB significantly attenuated the MPP⁺-induced decrease in MMP and mitochondrial ATP synthesis(P < 0.05), and it significantly increased mtDNA content and the expression of PGC-1, NRF-1 and TFAM mRNA after MPP⁺ exposure (P < 0.05). Moreover, Western blotting analysis showed that SalB significantly increased the expression of Opa-1 and Mfn-1 protein, but decreased that of Drp-1 and Fis-1 after MPP⁺ treatment (P < 0.05). **Conclusion** SalB can protect PC12 cells against MPP⁺-induced mitochondrial dysfunction, probably through regulating mitochondrial biogenesis and mitochondrial fusion related proteins.

[Key words] Parkinson disease; salvianolic acid B; 1-methyl-4-phenycpyridiniun; PC12 cells; mitochondria

[Acad J Sec Mil Med Univ, 2015, 36(6): 685-689]

帕金森病(Parkinson disease, PD)是一类常见的中枢神经系统慢性退行性疾病,随着年龄增加其发病率逐渐增高,主要影响 50 岁以上人群^[1]。PD的病理学特征是发生于黑质多巴胺能神经元的变性与坏死,造成向纹状体转运的多巴胺减少,临床表现为静止性震颤为特征的运动功能障碍^[2]。PD患者

发生多巴胺能神经元损伤的机制被认为与包括遗传在内的多种因素相关,其中神经元线粒体功能障碍在 PD 所致神经元变性中起到关键作用^[3]。许多以神经细胞氧化应激及线粒体功能障碍为靶点的化合物,在离体及在体实验中被证明对多巴胺能神经元具有保护作用^[4]。

[收稿日期] 2015-03-17 [接受日期] 2015-05-08

[作者简介] 杨军岭,博士,主管药师. E-mail: 158388890@qq. com

传统中药丹参是唇形科植物甘西鼠尾草的干燥 根,被传统医学广泛应用于心绞痛、心肌梗死、卒中 等心脑血管疾病的预防与治疗[5]。丹参提取物包含 18 种以上具有生物活性的化合物,可分为脂溶性和 水溶性两类,其中丹酚酸 B(salvianolic acid B, SalB)是含量较高、活性较强的一种水溶性成分[6]。 以往研究表明, SalB 具有抗氧化、保护缺血再灌注 损伤、防治动脉粥样硬化等作用[7-8],其抗肿瘤作用 也在多种人类肿瘤细胞系中得到证实[9]。一项研究 表明, SalB 可通过其抗氧化活性, 对 6-羟多巴胺所 致 SH-SY5Y 细胞凋亡发挥保护作用[10]。但 SalB 对PD相关损伤神经元的保护作用机制仍不明确。 因此,本研究采用1-甲基-4-苯基吡啶离子(1methyl-4-phenylpyridinium, MPP+) 处理 PC12 细 胞,建立 PD 的离体细胞模型,观察 SalB 对细胞线粒 体功能的影响,并探讨其可能的作用机制,为临床应 用提供理论依据。

1 材料和方法

- 1.1 主要试剂及仪器 实验用 PC12 细胞由北京生物化学与细胞生物学研究所提供;胎牛血清由杭州四季青公司提供;DMEM 细胞培养基由 Gibco 公司提供;线粒体膜电位染料 Rh123、胰蛋白酶由 Sigma 公司提供;线粒体 ATP 合成试剂盒由 BD 公司提供;Opa-1、Mfn-1、Drp-1、Fis-1 和 β-actin 抗体由 Cell Signaling 公司提供;RT-PCR 及蛋白质印迹检测试剂盒由 Sigma 公司提供。
- 1.2 实验分组及处理 实验分为 3 组:正常对照组、PD模型组、SalB处理组。正常对照组 PC12 细胞常规培养,PD模型组 PC12 细胞加入 100 μmol/L MPP+制备 PD模型,SalB处理组 PC12 细胞在损伤后 2 h 加入 50 μmol/L SalB共培养。
- 1.3 细胞线粒体功能的测定
- 1.3.1 线粒体膜电位检测 线粒体膜电位水平采用 Rh123 荧光染色法进行测定。PC12 细胞被接种于共聚焦细胞爬片上,经过各种处理后,加入10 μmol/L Rh123 染料在黑暗中 37℃培养箱中孵育1 h。孵育完成后,避光弃去孵育液,在共聚焦荧光显微镜下检测荧光强度,结果表示为与正常对照组荧光强度的百分比。
- 1.3.2 线粒体 ATP 合成检测 线粒体 ATP 合成

检测采用 BD 公司提供的商品化试剂盒进行。PC12 细胞经过各种处理后,采用梯度离心法分离出线粒体,加入 30 μ L 缓冲试剂 A 和 B,室温下孵育 10 min。反应在酶标仪中进行记录,以加入 0. 1 mmol/L ADP 为开始,记录 5 min,结果表示为与正常对照组 ATP 合成速率的百分比。

- 1.4 PCR 法测定细胞线粒体 DNA 含量 线粒体 DNA 含量检测采用 RT-PCR 法进行。提取 PC12 细胞 DNA 作为内参,用于检测线粒体 DNA 的引物 序列为:正义 5'-ATA TTT TCA CTG CTG AGT CCC GTG G-3'; 反义 5'-AAT TTC GGT TGG GGT GAC CTC GGA G-3'。
- 1.5 实时定量 RT-PCR 测定线粒体生物发生相关 转录因子表达 扩增曲线反应条件:95℃预变性 5 min;95℃变性 20 s,60℃退火 30 s,72℃延伸 20 s, 在此阶段进行荧光信号采集,共40个循环;溶解曲 线反应条件:60~95℃每循环温度升高 0.5℃,维持 20 s,采集荧光信号,共71个循环。所用引物序列: PGC-1 正义 5'-GTG CAG CCA AGA CTC TGT ATG G-3'; 反义 5'-GTC CAG GTC ATT CAC ATC AAG TTC-3'。NRF-1 正义 5'-TTA CTC TGC TGT GGC TGA TGG-3',反义 5'-CCT CTG ATG CTT GCG TCG TCT-3'; TFAM 正义 5'-GAA AGC ACA AAT CAA GAG GAG-3',反义 5'-CTG CTT TTC ATC ATG AGA CAG-3'; GAPDH 正义 5'-GGG TCA GAA GGA TTC CTA TG-3',反义 5'-GGT CTC AAA CAT GAT CTG GG-3'。结果以与正常对照组各基因表达水平的倍 数值表示。
- 1.6 蛋白质印迹法测定线粒体融合与分裂相关蛋白 根据蛋白定量结果,按照每孔加样量为 40 μg 蛋白进行上样,并取一泳道加入预染 Marker。常规电泳、湿转、牛奶封闭后,分别加入抗 Opa-1、Mfn-1、Drp-1 和 Fis-1 的一抗,4℃孵育过夜,对应二抗室温孵育 1 h,化学发光,使用 Image J 软件对压片后各蛋白条带进行分析,计算相对表达量。
- 1.7 统计学处理 采用 SPSS 16.0 统计软件,计量 资料以 $\bar{x}\pm s$ 表示,多组间均数比较使用单因素方差 分析(ANOVA),检验水准(α)为 0.05。

2 结 果

2.1 SalB 对 MPP+ 所致 PC12 细胞线粒体功能损

结果表明:与PD模型组相比,SalB处理 组细胞在损伤后 12、24、48 h 可显著抑制 MPP+ 所 致的 PC12 细胞线粒体 ATP 合成能力下降(图 1A)。线粒体膜电位变化检测结果(图 1B、1C)表 明:MPP+显著降低 PC12 细胞线粒体膜电位水平, SalB 可抑制 MPP+所致线粒体膜电位的降低。

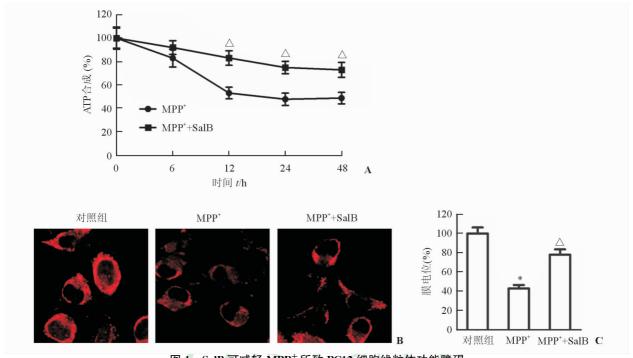
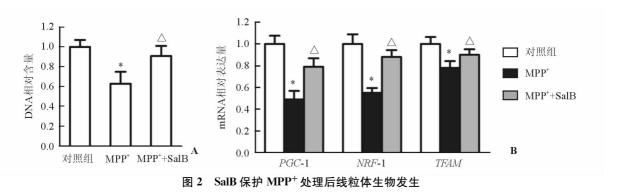


图 1 SalB 可减轻 MPP+所致 PC12 细胞线粒体功能障碍

A; ATP 合成能力的测定; B; 线粒体膜电位测定的 Rh123 染色(Original magnification: ×200); C: 线粒体膜电位的测定结果. * P < 0.05与正常对照组比较; $^{\triangle}P < 0.05$ 与 PD 模型组(MMP+)比较. n = 3, $\bar{x} \pm s$

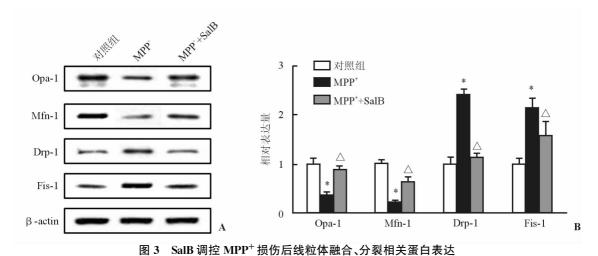
SalB 保护 MPP+处理后线粒体生物发生 果(图 2A)表明: MPP+ 处理后 PC12 细胞线粒体 DNA 含量显著降低(P < 0.05), SalB 可明显抑制线 粒体 DNA 含量的降低(P < 0.05)。线粒体生物发

生相关基因 PGC-1、NRF-1 和 TFAM 的表达结果 表明:MPP+处理后 PGC-1、NRF-1、TFAM mRNA 表达较正常对照组降低,而 SalB 可明显增加MPP+ 处理后这些基因的表达(P < 0.05)。



A:线粒体 DNA 含量测定结果;B:线粒体生物发生相关基因的表达. *P < 0.05 与正常对照组比较; $^{\triangle}P < 0.05$ 与 PD 模型组 (MMP^+) 比较. n=3, $\bar{x}\pm s$

2.3 SalB 调控 MPP+损伤后线粒体融合、分裂相 关蛋白表达 蛋白质印迹检测结果(图 3)表明: MPP+处理后,线粒体融合相关蛋白 Opa-1 和 Mfn-1的表达较对照组降低,而线粒体分裂相关蛋白 Drp-1 和 Fis-1 的表达明显增高(P<0.05)。与 PD 模型组相比, SalB 可抑制 MPP+ 所致的 Opa-1 和 Mfn-1 的表达降低,并降低 Drp-1 和 Fis-1 的表达增 加(P<0.05)。



A:蛋白质印迹图; B:定量分析结果. * P<0.05 与正常对照组比较; $^{\triangle}P$ <0.05 与 PD 模型组(MMP+)比较. n=3, x±s

讨论

线粒体因为在人类疾病中扮演重要角色而受到 广泛关注,线粒体功能障碍是 PD 的重要致病因素 之一[11]。线粒体是ROS的重要来源,由于ROS可 直接损伤线粒体酶、导致线粒体 DNA 突变、改变线 粒体膜通透性,使得线粒体极易受到氧化应激损伤。 多种与PD发生发展相关的重要分子,如PINK1、 DJ-1、α 突触核蛋白等,均与线粒体的结构或功能密 切相关[12]。此外,多种特定的线粒体 DNA 多态性 或单倍型被报道与 PD 的发病风险相关,而研究发 现线粒体 DNA 或线粒体 DNA 聚合酶-G 的突变可 导致帕金森运动障碍[13-14]。同样,线粒体功能障碍 与 PD 所致神经细胞损伤的相关性也被流行病学资 料所证实,这些资料表明许多以线粒体为靶点的神 经毒剂可导致 PD 发生[15]。本研究发现, MPP+处 理可造成线粒体膜电位下降和线粒体 ATP 合成障 碍,这些结果表明 MPP+ 所致的 PC12 细胞损伤与 线粒体功能密切相关。

线粒体是细胞能量代谢的重要调节子,较高的 线粒体数量和质量被认为对细胞具有保护作用。线 粒体 ATP 合成的增加是评估线粒体功能提高的重 要指标,在病理状态下,细胞可通过增加线粒体生物 合成来实现 ATP 合成增加^[16]。线粒体生物发生被 定义为线粒体的增殖与分裂,可在损伤因素或外界 环境刺激下激活,受到多种信号通路的调控[17]。当 刺激因素超过阈值时,线粒体电子传递链受到破坏, 表现为膜电位下降和 ATP 合成障碍,进而导致细胞 色素 C 等促凋亡因子释放, Bcl-2 家族蛋白表达异 常,最终导致细胞凋亡[17]。研究表明,多种核基因 编码的特异性转录因子与线粒体生物发生相关,如 PGC-1、NRF-1 和 TFAM 等[18]。在本研究中, MPP+处理造成线粒体 DNA 和这些转录因子表达 的明显降低,而 SalB 可明显逆转这些变化。这些结 果强烈提示, SalB 对 PC12 细胞线粒体功能的保护 作用很可能与维持线粒体生物发生相关。

线粒体在细胞受到刺激时发生适应性功能调整 的重要方式之一是线粒体网络结构的变化,这一过 程包括了线粒体分裂和融合两种方式[19]。这些动 态的过程在神经细胞中特别重要,因为它们处在漫 长的有丝分裂后静止期,具有较高的能量需求。研 究表明线粒体分裂和融合相关蛋白的表达异常与中 枢神经系统疾病密切相关[20]。在脊椎动物中,多种 高相对分子质量 GTP 酶类,如 Opa-1、Mfn-1、Drp-1 和 Fis-1 等,参与了线粒体融合和分裂过程的调 控[21]。这些分子是影响线粒体形态的重要因素,它 们还可通过 caspase 相关的信号途径参与调控细胞凋 亡。通过激活 Mfn-1 或 Opa-1 的方式抑制线粒体碎 裂可减少细胞凋亡,而使用 Drp-1 的拮抗剂 mdivi-1 可抑制 tBid 所致的线粒体细胞色素 C 释放^[22-23]。在 本研究中我们发现,MPP+处理 PC12 细胞后,Opa-1 和 Mfn-1 表达降低, 而 Drp-1 和 Fis-1 表达升高, 表明 损伤后线粒体融合减少而分裂增加。SalB处理可显 著拮抗 MPP+引起的这些分子表达的变化,说明 SalB 对 PC12 细胞线粒体功能的保护作用与其对线粒体融 合和分裂过程的调节相关。

综上所述,本研究发现,一种丹参的活性提取成

分 SalB 可显著减轻 MPP⁺ 所致的 PC12 细胞线粒体 损伤,这种保护作用可能是通过对线粒体生物发生 和线粒体融合与分裂相关蛋白的调控而实现。

[参考文献]

- [1] Dexter D T, Jenner P. Parkinson disease: from pathology to molecular disease mechanisms [J]. Free Radic Biol Med, 2013, 62: 132-144.
- [2] Hirsch E C. Mechanism and consequences of nerve cell death in Parkinson's disease [J]. J Neural Transm Suppl, 1999, 56:127-137.
- [3] Beal M F. Mitochondria, oxidative damage, and inflammation in Parkinson's disease[J]. Ann N Y Acad Sci,2003,991:120-131.
- [4] Feng W, Wei H, Liu G T. Pharmacological study of the novel compound FLZ against experimental Parkinson's models and its active mechanism[J]. Mol Neurobiol, 2005, 31(1-3):295-300.
- [5] Cao W, Guo X W, Zheng H Z, Li D P, Jia G B, Wang J. Current progress of research on pharmacologic actions of salvianolic acid B[J]. Chin J Integr Med, 2012,18:316-320.
- [6] Tang M K, Ren D C, Zhang J T, Du G H. Effect of salvianolic acids from *Radix Salviae miltiorrhizae* on regional cerebral blood flow and platelet aggregation in rats[J]. Phytomedicine, 2002, 9; 405-409.
- [7] Chen T, Liu W, Chao X, Zhang L, Qu Y, Huo J, et al. Salvianolic acid B attenuates brain damage and inflammation after traumatic brain injury in mice[J]. Brain Res Bull, 2011, 84:163-168.
- [8] Chen S C, Lin Y L, Huang B, Wang D L, Cheng J J. Salvianolic acid B suppresses IFN-γ-induced JAK/STAT1 activation in endothelial cells[J]. Thromb Res, 2011,128:560-564.
- [9] Wang Z S, Luo P, Dai S H, Liu Z B, Zheng X R, Chen T. Salvianolic acid B induces apoptosis in human glioma U87 cells through p38-mediated ROS generation [J]. Cell Mol Neurobiol, 2013, 33:921-928.
- [10] Tian L L, Wang X J, Sun Y N, Li C R, Xing Y L, Zhao H B, et al. Salvianolic acid B, an antioxidant from *Salvia miltiorrhiza*, prevents 6-hydroxydopamine induced apoptosis in SH-SY5Y cells [J]. Int J Biochem Cell Biol, 2008, 40:409-422.
- [11] Abou-Sleiman P M, Muqit M M, Wood N W. Expanding insights of mitochondrial dysfunction in Parkinson's

- disease[J]. Nat Rev Neurosci, 2006, 7: 207-219.
- [12] Dodson M W, Guo M. Pink1, Parkin, DJ-1 and mitochondrial dysfunction in Parkinson's disease[J]. Curr Opin Neurobiol, 2007, 17:331-337.
- [13] Luoma P T, Eerola J, Ahola S, Hakonen A H, Hellstrom O, Kivisto K T, et al., Mitochondrial DNA polymerase gamma variants in idiopathic sporadic Parkinson disease [J]. Neurology, 2007, 69; 1152-1159.
- [14] Pyle A, Foltynie T, Tiangyou W, Lambert C, Keers S M, Allcock L M, et al. Mitochondrial DNA haplogroup cluster UKJT reduces the risk of PD[J]. Ann Neurol, 2005, 57;564-567.
- [15] Mandel S, Weinreb O, Amit T, Youdim M B. Mechanism of neuroprotective action of the anti-Parkinson drug rasagiline and its derivatives [J]. Brain Res Brain Res Rev, 2005, 48:379-387.
- [16] Zhu J, Wang K Z, Chu C T. After the banquet: mitochondrial biogenesis, mitophagy, and cell survival [J]. Autophagy, 2013, 9: 1663-1676.
- [17] Onyango I G, Lu J, Rodova M, Lezi E, Crafter A B, Swerdlow R H. Regulation of neuron mitochondrial biogenesis and relevance to brain health [J]. Biochim Biophys Acta, 2010, 1802; 228-234.
- [18] Kroemer G. Mitochondrial control of apoptosis: an overview[J]. Biochem Soc Symp, 1999, 66:1-15.
- [19] Szabadkai G, Simoni A M, Chami M, Wieckowski M R, Youle R J, Rizzuto R. Drp-1-dependent division of the mitochondrial network blocks intraorganellar Ca²⁺ waves and protects against Ca²⁺-mediated apoptosis [J]. Mol Cell, 2004, 16:59-68.
- [20] Van Laar V S, Berman S B. Mitochondrial dynamics in Parkinson's disease[J]. Exp Neurol, 2009, 218: 247-256.
- [21] Martinou J C, Youle R J. Mitochondria in apoptosis: Bcl-2 family members and mitochondrial dynamics[J]. Dev Cell, 2011, 21: 92-101.
- [22] Otera H, Ishihara N, Mihara K. New insights into the function and regulation of mitochondrial fission [J]. Biochim Biophys Acta, 2013, 1833; 1256-1268.
- [23] Lackner L L, Nunnari J. Small molecule inhibitors of mitochondrial division: tools that translate basic biological research into medicine[J]. Chem Biol, 2010, 17:578-583.