DOI:10.16781/j.0258-879x.2017.07.0836

· 专题报道 ·

染色体多态性不影响体外受精胚胎移植技术的生殖结局

松 迪¹,印惠荣¹,张慧琴¹,孙燕华¹,沈晨晨¹,杜 惠¹,施敏凤¹,孙兆贵^{2*},孙方臻^{1,3*}

- 1. 第二军医大学长海医院生殖医学中心,上海 200433
- 2. 上海市计划生育科学研究所,国家人口和计划生育委员会计划生育药具重点实验室,上海 200032
- 3. 中国科学院遗传与发育生物学研究所,北京 100101

[摘要] **1 6** 探讨染色体多态性对体外受精/卵胞质内单精子显微注射-胚胎移植(IVF/ICSI-ET)助孕患者临床妊娠结局的影响。 **方法** 回顾性分析 2015 年 3 月—2016 年 6 月在第二军医大学长海医院生殖医学中心首次进行 IVF/ICSI-ET 周期不孕不育夫妻的临床资料。根据夫妻—方或双方染色体是否存在多态性分为 2 组:染色体多态性组 (夫妻一方或双方存在染色体多态性)和染色体正常组(夫妻双方染色体均正常)。比较分析两组夫妻在 IVF/ICSI-ET 治疗后的胚胎种植率、临床妊娠率、早期流产率和每移植周期活产率。 **结果** 共纳人 1 108 对行 IVF/ICSI-ET 助孕的不孕不育夫妻,其中染色体多态性组 69 对,染色体正常组 1 039 对。染色体正常组和染色体多态性组的胚胎种植率 (34.91% vs 34.62%, P>0.05)、临床妊娠率 (49.09% vs 50.72%, P>0.05)、早期流产率 (11.37% vs 8.57%, P>0.05)、每移植周期活产率 (41.67% vs 43.47%, P>0.05)差异均无统计学意义。 **结论** 染色体多态性不影响 IVF/ICSI-ET 助孕患者的临床结局。

[关键词] 染色体多态性;体外受精;卵胞浆内单精子显微注射;胚胎移植;妊娠结局

[中图分类号] R 321-33 [文献标志码] A [文章编号] 0258-879X(2017)07-0836-06

Chromosomal polymorphisms do not affect outcome of in vitro fertilization and embryo transfer treatment

SONG Di¹, YIN Hui-rong¹, ZHANG Hui-qin¹, SUN Yan-hua¹, SHEN Chen-chen¹, DU Hui¹, SHI Min-feng¹, SUN Zhao-gui²*, SUN Fang-zhen¹,³*

- 1. Reproductive Medicine Center, Changhai Hospital, Second Military Medical University, Shanghai 200433, China
- 2. Shanghai Institute of Planned Parenthood Research, Key Laboratory of Contraceptive Drugs and Devices of National Population and Family Planning Commission of China, Shanghai 200032, China
- 3. Institute of Genetics and Developmental Biology, Chinese Academy of Sciences, Beijing 100101, China

[Abstract] Objective To explore the effect of chromosomal polymorphic variations on the outcome of *in vitro* fertilization/intracytoplasmic sperm injection-embryo transfer (IVF/ICSI-ET) treatment for infertile couples. Methods In this retrospective study, 1 108 infertile couples, who received their first IVF/ICSI-ET treatment cycles in Reproductive Medicine Center of Changhai Hospital of Second Military Medical University from Mar. 2015 to Jun. 2016, were included and divided into two groups; normal chromosomal group (the infertile couples with normal chromosome) and chromosomal polymorphic group (with chromosomal polymorphic variations). The embryo implantation rate, clinical pregnancy rate (CPR), early abortion rate and live birth rate (LBR) after IVF/ICSI-ET treatment were compared and analyzed. Results A total of 1 108 infertile couples received IVF/ICSI-ET treatment were enrolled, with 69 in the chromosomal polymorphic group, and 1 039 in the normal chromosomal group. There were no significant differences between the two groups in embryo implantation rate (34, 91% vs 34, 62%, P > 0.05), CPR (49, 09% vs 50, 72%, P > 0.05), early abortion rate (11, 37% vs 8, 57%, P > 0.05) or LBR (41, 67% vs 43, 47%, P > 0.05). Conclusion Chromosomal polymorphisms appear to have no effect on the outcome of IVF/ICSI-ET treatment for infertile couples.

[Key words] chromosome polymorphism; fertilization *in vitro*; intracytoplasmic sperm injection; embryo transfer; pregnancy outcome

[Acad J Sec Mil Med Univ, 2017, 38(7): 836-841]

[收稿日期] 2017-04-19 [接受日期] 2017-06-22

在正常健康人群中存在着各种染色体的恒定的微小变异,包括结构、带纹宽窄和着色强度等,其中1、9、16、Y等染色体长臂区和 D 与 G 组染色体短臂区的结构异染色质区域较常发生。这类微小而恒定的变异按孟德尔方式遗传,通常无明显的表型效应或病理学意义,称为染色体多态性[1]。

染色体多态性会导致一定的临床效应,如不孕 不育和自然流产[2]。研究发现,接受体外受精/卵胞 质内单精子显微注射-胚胎移植(in vitro fertilization/intracytoplasmic sperm injectionembryo transfer, IVF/ICSI-ET) 助孕的不孕不育人 群染色体多态性的检出率高于染色体正常的生育人 群[3-4]。但也有报道认为染色体多态性不孕不育人 群与染色体正常人群接受 IVF/ICSI-ET 助孕后临 床结局的差异并无统计学意义[5-6]。可见染色体多 态性与表型效应之间的关系并不清楚。且很少有研 究提及高染色体多态性检出率会影响 IVF/ICSI-ET 助孕的临床结局。因此,本研究回顾分析第二军医 大学长海医院生殖医学中心既往接受 IVF/ICSI-ET 助孕的不孕不育夫妻及活产情况,以阐明染色体多 态性是否影响 IVF/ICSI-ET 治疗的临床结局。

1 资料和方法

1.1 研究资料 纳人 2015 年 3 月—2016 年 6 月于 第二军医大学长海医院生殖医学中心接受 IVF/ ICSI-ET 助孕的不孕不育夫妻 1 108 对,根据夫妻— 方或双方是否存在染色体多态性分为染色体正常组 (夫妻双方染色体均正常)和染色体多态性组(夫妻——方或双方存在染色体多态性变异)。纳入标准:女方年龄≪38 岁,初次促排卵进行 IVF/ICSI-ET 助孕的不孕不育夫妻,并且只统计第 1 个新鲜周期。排除标准:女方年龄≫38 岁,女方基础卵泡刺激素≫10 IU/L,多囊卵巢综合征及卵巢功能不全者,女方具有子宫畸形及不良妊娠史,染色体核型异常者未纳人本研究。本研究经第二军医大学长海医院伦理委员会批准,所有参与者均签署知情同意书。

1.2 染色体核型分析 所有患者均在促排卵周期启动前,在医学遗传学实验室进行染色体核型分析。应用常规方法对其外周血淋巴细胞进行 72 h 短期培养,每毫升培养液中加入秋水仙素 0.8 μg,继续在 37 ℃培养箱中培养 4~6 h。之后将细胞液移入

10 mL的离心管中,360×g 离心 10 min,弃去上清液,加入 37 ℃预热的低渗液氯化钾溶液(0.075 mol/L)处理。固定剂使用甲醇和冰醋酸(体积比为 3:1)。对收集的细胞进行 G 显带处理,显带分辨率为400~550条带,按照人类细胞学国际命名体制进行染色体核型分析。每例病例至少进行 20 个有丝分裂相的分析,并至少每例有 5 个核型通过光学显微镜验证确认。

染色体多态性的诊断标准[1]为:(1)Y染色体的 长度变异,主要变异部位是 Y 染色体长臂结构异染 色质区,即长臂远端约 2/3 区段的长度变异。如果 Y 染色体大于 F 组或大于第 18 号染色体, 称为"长 Y""大 Y"或"巨 Y",描述为 Ygh^+ ;若 Y 染色体的长 度为 G 组染色体长度的 1/2 以下,称为"小 Y"染色 体,描述为 Yq^- ,Y染色体变异的患者均进行Y染 色体微缺失检测,将有 Y 染色微缺失的患者排除在 研究外。(2)D组、G组近端着丝粒染色体的短臂、 随体及随体柄部的次缢痕区(nucleolar organizing region, NOR)的变异,表现为随体的增加(ps^+)、减 少(ps-)及随体柄增长(pstk+)等;着丝粒的增长或 缩短(cen+,cen)。(3)第1、9和16号染色体次缢 痕的变异,表现为次缢痕的有无或长短的变异 $(1qh^{+/-}, 9qh^{+/-}, 16qh^{+/-})$ 。此外,在 1、9、16 号和 Y染色体的着丝粒染色质区出现的倒位也属于染色 体多态性。

1.3 助孕方案及黄体支持方案 依据患者年龄、卵巢储备功能情况选择标准长方案或短方案促排卵,当卵泡接近成熟时皮下注射重组人绒毛膜促性腺激素(human chorionic gonadotropin, hCG;商品名:艾泽,默克雪兰诺有限公司,250 μg/支),34~36 h后在阴道 B超引导下穿刺取卵,M II 卵母细胞经常规IVF/ICSI 授精,16~18 h后观察受精情况;取卵后2~3 d观察卵裂及胚胎发育情况。取卵后72 h在B超引导下行胚胎移植,取卵日起常规进行黄体支持^[7]。未获卵或无胚胎移植者未纳人。

1.4 临床结局观察 胚胎移植后 12~14 d 通过尿妊娠试验检查或抽血查 hCG(外周血β-hCG>5 IU/L)确定生化妊娠。移植 35 d 后行腹部 B 超检查见孕囊者为临床妊娠,记录孕囊数目、胚芽及胎心搏动情况并随访追踪妊娠结局。看到妊娠囊后、孕12 周前的流产或胚胎停育属于早期流产。出生婴

儿记录生产方式、畸形情况、出生体质量、是否足月、性别等。同时比较两组的平均 MⅢ卵子数、受精率(受精卵数目/MⅢ卵子数×100%)、正常(2PN)受精率(2PN)受精卵数目/MⅢ卵子数×100%)、卵裂率(卵裂胚胎数/受精卵数目×100%)、优质胚胎率(优质胚胎数/卵裂胚胎数×100%)、生化妊娠率(生化妊娠数/移植周期数×100%)、临床妊娠率(临床妊娠数/移植周期数×100%)、胚胎种植率(妊娠囊数/移植胚胎数×100%)、早期流产率(早期流产数/临床妊娠数×100%)和活产率(有活产婴儿出生的分娩周期数/移植周期数×100%)。

1.5 统计学处理 采用 SPSS 16.0 软件进行数据

处理,计量资料以 $\bar{x}\pm s$ 表示,组间比较采用 t 检验; 计数资料以率表示,组间比较采用 χ^2 检验。检验水 准(α)为 0.05。

2 结 果

2.1 两组患者一般资料的比较 本研究共纳人接受 IVF/ICSI-ET 助孕的不孕不育夫妻 1 108 对,其中染色体多态性组 69 对,染色体正常组 1 039 对。两组女方的平均年龄、男方的平均年龄、女方的体质量指数(body mass index,BMI)、不孕类型、促排卵方案、受精方案的差异均无统计学意义(P>0.05,表 1)。

表 1 两组患者的一般资料

Tab 1 General characteristics of infertile couples in two groups

Index	Normal chromosomes group N=1 039	Chromosomal polymorphic group N=69	t/χ^2 value	P value
Female age (year), $\bar{x}\pm s$	32.04 ± 5.57	30. 13±4. 24	1.042	0.297
Male age (year), $\bar{x}\pm s$	33.91 ± 6.53	32.09 ± 5.83	1.530	0.126
Female BMI (kg • m $^{-2}$), $\bar{x}\pm s$	22. 47 ± 3.57	22. $41\pm 3. 16$	0.116	0.91
Method of insemination n			0.608	0.43
IVF cycles	695	43		
ICSI cycles	344	26		
Infertility category n	S R	19 >	0.359	0.55
Primary	640	45 / 5		
Secondary	399	24/29/		
Protocol of ovarian stimulation n			0.035	0.85
Long	666	45		
Short	373	24		

BMI: Body mass index; IVF: In vitro fertilization; ICSI: Intracytoplasmic sperm injection

2.2 染色体多态性类型及检出率 染色体多态性 类型及检出率结果见表 2。染色体多态性总检出率 为 6.22%(69/1 108)。以常染色体次溢痕增加为代表的 $1qh^+$ 、 $9qh^+$ 和 $16qh^+$ 的检出率为 2.35%(26/1 108);D/G 组染色体多态性变异检出率为 1.53%(17/1 108)。臂间倒位染色体多态性的检出率为 1.53%(17/1 108),主要为 9 号染色体臂间倒位[检出率为 1.35%(15/1 108)];男性 Y 染色体多态性的检出率 0.99%(11/1 108),主要表现为 $Yqh^{+/-}$ 、Yinv。主要的染色体多态性核型见图 1。

2.3 两组患者的实验室结局和临床结局 两组患者的 M II 卵子获得数、受精率、2PN 受精率、卵裂率和优质胚胎率差异均无统计学意义(P>0.05,表3)。两组患者的临床结局见表4,两组患者的生化妊娠率、临床妊娠率、种植率、早期流产率、活产率的差异均无统计学意义(P>0.05)。

表 2 经 IVF/ICSI-ET 治疗患者的染色体多态性类型及检出率
Tab 2 Frequency of chromosomal polymorphisms

in infertile couples receiving IVF/ICSI-ET treatment

 $N=1\ 108,\ n(\%)$

Karyotype	Male	Female	
$1,9,16qh^+$	4(0.36)	22(1.98)	
$1qh^+$	2(0.18)	14(1.26)	
$9qh^+$	2(0.18)	1(0.09)	
$16qh^+$	0(0.00)	7(0.63)	
D/G group variation	5(0.45)	12(1.08)	
$ps^{+/-}$	3(0.27)	5(0.45)	
$cen^{+/-}$	1(0.09)	2(0.18)	
$pstk^+$	1(0.09)	5(0.45)	
Y chromosomal variation	11(0.99)	0	
Yqh^{+}	3(0.27)	0	
Yqh^-	6(0.54)	0	
Yinv	2(0.18)	0	
9inv	3(0.27)	12(1.08)	
Total	23(2.08)	46(4.15)	

IVF: In vitro fertilization; ICSI: Intracytoplasmic sperm injection; ET: Embryo transfer

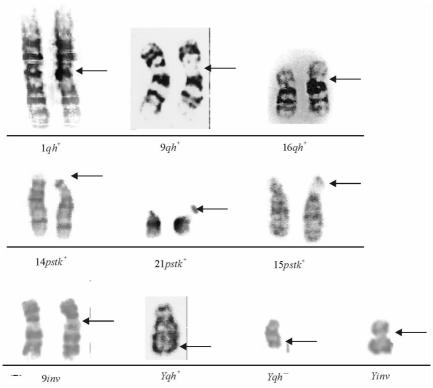


图 1 典型的染色体多态核型图(箭头示)

Fig 1 Typical examples of some type of chromosomal polymorphisms (arrows)

表 3 两组患者实验室结局的比较

Tab 3 Comparison of lab outcomes between two groups

Outcome	Normal chromosomes group	Chromosomal polymorphic group	t/χ^2 value	P value
$M \parallel \text{ oocytes } \bar{x} \pm s$	7.55 \pm 6.15 (n =1 039)	8.48±5.42 (<i>n</i> =69)	0.97	0.26
Fertilization rate ^a $\%$ (n/N)	88. 60(6 728/7 594)	90. 38(423/468)	1.41	0.23
2PN fertilization rate $^{\rm b}$ 0 $\!\!$ $\!\!$ $\!\!$ $\!\!$ $\!\!$ $\!\!$ $\!\!$ $\!$	80. 33(6 100/7 594)	81. 20(380/468)	0.21	0.65
Cleavage rate $\%(n/N)$	94.44(6 354/6 728)	95.74(405/423)	1.31	0.25
Good quality embryos rate $^{\mathrm{d}}$ % (n/N)	59. 40(3 774/6 354)	58. 52(237/405)	0.12	0.72

^a: Number of fertilized oocytes/number of M [] oocytes; ^b: Number of 2PN fertilized oocytes/number of M [] oocytes; ^c: Number of cleaved oocytes/number of fertilized oocytes; ^d: Number of good quality embryos/number of cleaved oocytes

表 4 两组患者临床结局的比较

Tab 4 Comparison of clinical outcomes between two groups

				% (n/N)
Outcome	Normal chromosomes	Chromosomal polymorphic group	t/χ^2 value	P value
	group			1 value
Biochemical pregnancy rate	56.30(585/1 039)	59.42(41/69)	0.26	0.61
Clinical pregnancy rate	49.09(510/1 039)	50.72(35/69)	0.07	0.79
Blastocyst implantation rate ^a	34.91(686/1 965)	34.61(45/130)	0.005	0.95
Early abortion rate ^b	11. 37(58/510)	8.57(3/35)	0.26	0.61
Live birth rate	41.67(433/1 039)	43.48(30/69)	0.08	0.76

^a: Number of ultrasound detected gestational sac(s)/number of all embryos transferred; ^b: Number of early miscarriage cycles/number of clinical pregnant cycles

3 讨 论

自将染色体检查归为辅助生殖常规术前检查以来,每对夫妻均需要检查外周血染色体核型。如果检查发现存在染色体多态性,大部分夫妻极度焦虑和困惑,如染色体多态性会不会影响助孕成功率?会不会导致流产?会不会对于后代有影响?关于染色体多态性与患者经过 IVF/ICSI-ET 助孕后的妊娠结局的关系,目前相关报道较少,而且研究结果存在差异[5-6.8]。染色体多态性在正常生育人群中的检出率为 2.6%[1],而本研究中 1 108 对接受 IVF/ICSI-ET 助孕的夫妻中总的染色体多态性检出率为 6.22%(69/1 108),明显高于文献的 2.6%。也有研究报道不孕不育患者染色体多态性的检出概率较高[9]。

本研究中男性 Y 染色体多态性的发生率最高 (0.99%,11/1~108),且以 $Ygh^{+/-}$ 为主。关于 Y 染 色体多态性, Minocherhomji 等[9] 研究发现 Y 染色 体结构异染色质区域的重复序列变长或变短都会因 位置效应斑的因素影响精子生成基因的表达,从而 影响男性的生育。但也有研究提出了相反的论据, 例如,Klantari等[10]研究了发生Y染色体多态性的 男性精液参数,发现其与正常核型男性差异无统计 学意义。而本次研究中 11 例 Y 染色体多态性的不 孕不育夫妻中,5 例临床妊娠并得到了健康活胎。 在较常见的9号染色体倒位方面争论也比较多,有 研究报道不孕症的患者 9 号染色体倒位的发生率高 于正常人群[11-12];也有研究发现9号染色体臂间倒 位与不孕症及流产率之间不存在相关性[13]。本研 究中 9 号染色体臂间倒位检出率为1.35%(15/ 1 108),这 15 例不孕不育夫妻中 6 例临床妊娠,而 只有1例发生早期流产。但因为例数少,差异不具 有统计学意义,所以需要进一步大样本研究明确。

本研究结果显示两组之间的一般资料、实验室结局和临床结局之间差异均无统计学意义,且染色体多态性组的受精率、生化妊娠率、活产率等稍高于对照组,早期流产率略低于对照组。传统观点认为,染色体多态性属于正常变异,结构异染色质区域所含 DNA 主要是转录活性较低的非编码的高度重复序列,涉及基因较少,不会引起明显的表型效应或不良后果。随着分子生物学技术的进展,有研究者开

始认为染色体多态性可能与生殖异常相关。例如, 有研究指出染色体多态性可能会通过增加男性精子 和受精后胚胎的非整倍体影响生殖结局[14]。既往 研究也认为,多态核型影响 IVF/ICSI-ET 的临床结 局。例如,Yakin等[15]研究发现具有多态性核型的 男性患者的临床妊娠率和胚胎着床率均低于核型正 常组男性。但是,此研究包括的病例均为重度少弱 精子症和非梗阻性无精子症患者,不能完全代表所 有 IVF/ICSI-ET 治疗的不孕不育人群。与之类似, Liang 等[6]研究发现染色体多态性可能会影响 IVF 的受精率,建议多态性患者使用 ICSI 提高受精率, 但同时指出染色体正常夫妻和染色体多态性夫妻的 临床妊娠率、早期流产率差异均无统计学意义,与本 研究的结果相似。另外, Hong等[5]研究结果表明, 男性染色体多态性除可能会增加早期流产率之外, 不影响 IVF/ICSI-ET 助孕的临床结局。本研究中 男方存在染色体多态性的夫妻只有1例发生早期流 产,并且两组间早期流产率的差异并无统计学意义。 根据我们的临床研究结果,可认为所观察的染色体 多态性对于实验室和临床胚胎发育和生殖结局没有 明显影响。然而,要得出肯定的结论,一方面需要增 大染色体多态性夫妻的样本量,以减少统计学误差; 另一方面,由于采用的外周血核型分析只能分辨 450~550 个条带,不能区分一些微小的重复或缺 失,因而需要应用更精确的染色体显带技术研究,以 更灵敏地区分可能的微重复或倒位,明确染色体多 态性是否影响生殖结局。

综上所述,本研究应用目前的染色体多态性分析方法,得出接受 IVF/ICSI-ET 助孕的不孕不育夫妻的染色体多态性总检出率(6.22%,69/1 108)高于正常人群(2.6%[1]),但研究中染色体正常夫妻和染色体多态性夫妻的临床妊娠率、早期流产率和活产率均无明显差异。

[参考文献]

- [1] MADON P F, ATHALYE A S, PARIKH F R. Polymorphic variants on chromosomes probably play a significant role in infertility [J]. Reprod Biomed Online, 2005, 11: 726-732.
- [2] CHENG R, MA Y, NIE Y, QIAO X, YANG Z, ZENG R, et al. Chromosomal polymorphisms are associated with female infertility and adverse

- reproductive outcomes after infertility treatment: a 7-year retrospective study[J]. Reprod Biomed Online, 2017, 35: 72-80.
- [3] AHMET OKAY C, ISILAY O, FATMA D, MUNIS D. Cytogenetic results of patients with infertility in middle anatolia, Turkey: do heterochromatin polymorphisms affect fertility? [J]. J Reprod Infertil, 2010, 11: 179-181.
- [4] MIERLA D, STOIAN V. Chromosomal polymorphisms involved in reproductive failure in the romanian population[J]. Balkan J Med Genet, 2012, 15; 23-28.
- [5] HONG Y, ZHOU Y W, TAO J, WANG S X, ZHAO X M. Do polymorphic variants of chromosomes affect the outcome of *in vitro* fertilization and embryo transfer treatment? [J]. Hum Reprod, 2011, 26: 933-940.
- [6] LIANG J, ZHANG Y, YU Y, SUN W, JING J, LIU R. Effect of chromosomal polymorphisms of different genders on fertilization rate of fresh IVF-ICSI embryo transfer cycles[J]. Reprod Biomed Online, 2014, 29: 436-444.
- [7] 张慧琴. 生殖医学理论与实践[M]. 2 版. 上海: 上海世界图书出版公司, 2014: 169-178.
- [8] XU X, ZHANG R, WANG W, LIU H, LIU L, MAO B, et al. The effect of chromosomal polymorphisms on the outcomes of fresh IVF/ICSI-ET cycles in a Chinese population [J]. J Assist Reprod Genet, 2016, 33; 1481-1486.
- [9] MINOCHERHOMJI S, ATHALYE A S, MADON P F, KULKARNI D, UTTAMCHANDANI S A,

- PARIKH F R. A case-control study identifying chromosomal polymorphic variations as forms of epigenetic alterations associated with the infertility phenotype[J]. Fertil Steril, 2009, 92: 88-95.
- [10] KALANTARI P, SEPEHRI H, BEHJATI F, ASHTIANI Z O, AKBARI M T. Chromosomal studies in infertile men[J]. Tsitol Genet, 2001, 35: 50-54.
- [11] MOZDARANI H, MEYBODI A M, KARIMI H. Impact of pericentric inversion of Chromosome 9 [inv (9) (p11q12)] on infertility[J]. Indian J Hum Genet, 2007, 13: 26-29.
- [12] UEHARA S, AKAI Y, TAKEYAMA Y, TAKABAYASHI T, OKAMURA K, YAJIMA A. Pericentric inversion of chromosome 9 in prenatal diagnosis and infertility[J]. Tohoku J Exp Med, 1992, 166; 417-427.
- [13] DANA M, STOIAN V. Association of pericentric inversion of chromosome 9 and infertility in romanian population[J]. Maedica (Buchar), 2012, 7: 25-29.
- [14] MORALES R, LLEDÓ B, ORTIZ J A, TEN J, LLÁCER J, BERNABEU R. Chromosomal polymorphic variants increase aneuploidies in male gametes and embryos [J]. Syst Biol Reprod Med, 2016, 62: 317-324.
- [15] YAKIN K, BALABAN B, URMAN B. Is there a possible correlation between chromosomal variants and spermatogenesis? [J]. Int J Urol, 2005, 12: 984-989.

[本文编辑] 杨亚红